

I 出芽酵母を用いた核-細胞質間輸送をはじめとする tRNA 動態の解析

Analyses of tRNA kinesis, including nuclear-cytoplasmic transport of
tRNAs, in budding yeast

吉久徹
Yoshihisa, T.

真核生物の tRNA は、転写後に様々な修飾を受けて成熟化し、最終的には細胞質で働く。一部の tRNA は intron を含んだ前駆体として転写されるが、ほとんどの intron は anticodon 近傍に挿入されており、その splicing は tRNA の機能化に必須である。tRNA の splicing は、mRNA とは異なり、タンパク質のみから成る酵素群が司るが、我々は出芽酵母の splicing 酵素群が、細胞質、特にミトコンドリア表面で働くこと、さらには、成熟体 tRNA が細胞質と核とを行き来しながらその一生を過ごすことを見出している。現在、この過程を司る分子機構の全貌を明らかにするため、出芽酵母 *Saccharomyces cerevisiae* を用いて解析を進めている。さらに近年、tRNA のレパートリーが、生理的環境や生物の発生段階、組織形成に応じて変化するという証拠が得られつつある。我々は、tRNA 量の新規絶対定量法である OTTER 法を開発し、また、積極的な tRNA 量の改変系を構築することで、tRNA レパートリーの生理的環境に応じた動態の詳細や、それを可能にする機構、さらには、そうしたレパートリー変化が翻訳をはじめとする生理機能へ及ぼす影響を解析している。

II 出芽酵母の tRNA 遺伝子に含まれる intron の 生理的意義の解析

Studies on physiological functions of tRNA introns in budding yeast

吉久徹
Yoshihisa, T.

前駆体 tRNA 中の intron は除かれることが tRNA の機能化に必須だが、逆に言えば tRNA 遺伝子に intron は必要なのだろうか？我々は、染色体上の遺伝子組換えが容易な出芽酵母の特性を生かし、tRNA の種類毎に、intron を持つ遺伝子全てを intron 欠失型に置き換えるプロジェクトを進め、全ての isoacceptor tRNA にとって intron は必ずしも必要でないことを明らかにしている。intron 欠失株の表現型解析を進めるなかで、tRNA-Ile_{UAU} の intron が必要なアンチコドン修飾に必須であるだけで無く、不必要な修飾を防ぐ役割を持つこと、intron 欠失株の一部では、rRNA の成熟化や核小体の形態に異常が見られることを明らかにした。現在、tRNA-Leu_{CAA} の intron 欠失

株において、intron 欠失の mRNA レポートリーや翻訳への影響を網羅的な解析で検討している。

III 一時的翻訳停止を必要とする mRNA の翻訳再開と品質管理回避のメカニズムの解析

Investigation of mechanisms that allow translational restart and avoidance from mRNA surveillance of certain mRNAs that require tactical translational arrest for their regulation.

吉久徹
Yoshihisa, T.

出芽酵母の小胞体ストレス応答の鍵転写因子である Hac1 は、tRNA 型の細胞質プライシングを受けるめずらしい mRNA から翻訳される。しかし、前駆体 *HAC1* mRNA は、(1) 翻訳停止態にあること、(2) 見かけ上、未成熟終止コドンと認識されうる読み枠構造をもつこと等から、mRNA の品質管理機構によって分解されるべき特性を持つにもかかわらず、非ストレス下で安定な休眠状態にある。他の mRNA でも、その 2 次構造や rare codon を用いた一時的翻訳停止を用いて、タンパク質のドメイン毎の折りたたみを可能にする例があるが、こうした mRNA の翻訳停止機構がある程度理解されているに対し、その翻訳再開機構はよくわかっていない。当然、こうした mRNA もこれらも見かけ上、RNA の品質管理に抵触している。そこで、*HAC1* mRNA をはじめとする一時的翻訳停止を伴う mRNA の品質管理回避や、翻訳再開の機構について研究を進めている。特に、*HAC1* mRNA の翻訳制御にも関わり、この mRNA の細胞質プライシング因子でもある Rlg1 に着目した解析を進めている。この中で、小胞体ストレス応答不全となる *rlg1* 変異の中には非ストレス下の *HAC1* mRNA が不安定になる変異があること、また、小胞体ストレス下では酵母 Ski 複合体が *HAC1* の翻訳制御に関わることを明らかにした。一方、複数のリボソームが同じ mRNA 分子上に複数並んで翻訳を進めるのが普通であるが、一部の mRNA では十分な長さがあるにもかかわらず、1 分子の mRNA に 1 個のリボソームしか結合しない状態（モノソーム状態）で翻訳される。こうした mRNA の翻訳制御についても研究を進めている。特に、こうした mRNA の一部では、Puf3 という RNA 結合タンパク質の異常によって、モノソーム状態が亢進することが明らかとなった。

IV 原生動物の運動に関与する分子機械

Studies on biomolecules responsible for motility of protozoa

園部誠司・吉久徹
Sonobe, S., Yoshihisa, T.

原生動物は1個の細胞が1個体であり、運動、摂食、分裂、環境応答など多細胞生物が持つ様々な機能を同等に持っているが、1細胞であるがゆえに多細胞生物の細胞には見られない独特の様式でこれらの機能を発現している。特に運動様式は特殊なものが多くみられる。しかし、ここで用いられている運動タンパク質は微小管、アクチンといった多細胞生物と共通のものである。さまざまな原生動物を用いて、それらの特殊な運動様式の仕組みの解明を行い、それを通じて運動機構の普遍的な原理を明らかにすることを目指している。

V 植物小胞体の形態形成に関与する分子機械

Studies on biomolecules responsible for morphogenesis of
endoplasmic reticulum in plant cells

横田悦雄・吉久徹
Yokota, E., Yoshihisa, T.

植物細胞の機能発現において、細胞骨格は重要な役割を果たしている。原形質流動におけるアクチン-ミオシン系の役割について、研究を行ってきた。植物特異的なミオシン XI による小胞体流動により、原形質流動が引き起こされること、また原形質流動の速度が植物のサイズに影響を及ぼすことを明らかにした。そして輸送だけではなく、小胞体の形態形成機構におけるアクチン-ミオシン系や、小胞体膜タンパク質である RHD3 の役割について解析を行っている。その結果 RHD3 が小胞体膜融合因子であり、リン酸化によりその活性が調節されることが示された。

VI その他の共同研究

Other collaborations

吉久徹・園部誠司・横田悦雄
Yoshihisa, T., Sonobe, S., Yokota, E.

発表論文 List of Publications

- I-1 Kanai, A. (慶應大) and Yoshihisa, T.: Editorial: Current Advances in the Research of RNA Regulatory Enzymes. *Frontiers in Genetics*, **10**, e00973 (2019)
- I-2 Nagai, A., Mori, M., Shiomi, Y., and Yoshihisa, T.: How to measure absolute quantity of tRNAs. : 第19回日本蛋白質学会・第71回日本細胞生物学会合同年次大会 2019年(神戸国際会議場・神戸市)
- I-3 永井陽久、塩見由麻、森滉平、吉久徹: 出芽酵母における tRNA 発現解析: 第21回日本 RNA 学会(東京大学・東京都)(2019年)
- II-1 Hayashi, M., Mori, S. (名大), Suzuki, T. (東大), Suzuki, T. (東大), and Yoshihisa, T.:

- Impact of intron removal from tRNA genes on *Saccharomyces cerevisiae*. *Nucleic Acids Research*, **47**, 5936–5949 (2019)
- II-2 Hayashi, S., Shichino, Y. (理研), Iwasaki, S. (理研), and Yoshihisa, T.: Intron removal from tRNA^{Leu}_{CAA} genes in *S. cerevisiae*: The 24th RNA Meeting (ICE Kraków Congress Centre, Kraków, Poland) (2019)
- II-3 林紗千子、七野悠一 (理研)、池田彩乃、松井将也、鈴木健夫 (東大)、鈴木勉 (東大)、岩崎信太郎 (理研)、吉久徹: 出芽酵母におけるシステムティックな遺伝子改変をベースにした tRNA 機能の解析: 第 21 回日本 RNA 学会 (東京大学・東京都) (2019 年)
- II-4 Hayashi, S., Shichino, Y. (理研), Iwasaki, S. (理研), and Yoshihisa, T.: Ic-tRNA leads ribosome biogenesis and mitochondrial functions: 第 42 会日本分子生物学会 (福岡国際会議場・福岡市) (2019)
- III-1 岩元夏純、林紗千子、吉久徹: モノソーム集積型 mRNA の翻訳制御機構とミトコンドリアターゲティングに関する解析: 第 42 会日本分子生物学会 (福岡国際会議場・福岡市) (2019)
- III-2 松木泰子 (東北大)、松尾芳隆 (東北大)、岩崎信太郎 (理研)、横尾秀幸 (東北大)、中野裕 (東北大)、宇田川剛 (東北大)、佐伯泰 (東京医学総研)、吉久徹、田中啓二 (東京医学総研)、Nicholas Ingolia (カリフォルニア大)、稲田利文 (東北大): 小胞体ストレス応答におけるリボソームユビキチン化の新規機能: 第 42 会日本分子生物学会 (福岡国際会議場・福岡市) (2019)
- IV-1 濱野美波、松村光一、園部誠司: *Spirostomum ambiguum* の運動における微小管の役割: 日本原生生物学会第 52 回大会 (茨城大学・水戸市) (2019)
- IV-2 和田友里菜、加藤恒星、園部誠司: *Spirostomum ambiguum* の収縮に伴うマイオネームの構造変化: 日本原生生物学会第 52 回大会 (茨城大学・水戸市) (2019)
- IV-3 増田愛葵、園部誠司: *Amoeba proteus* における細胞膜とアクチンの結合: 日本原生生物学会第 52 回大会 (茨城大学・水戸市) (2019)
- V-1 上田晴子、横田悦雄、西村いくこ: 小胞体のゾーンからみる形態形成機構: 第 83 回植物学会 (東北大学・仙台市) (2019)
- VI-1 松田 頌子、山本 良、菅 公秀、吉久 徹、阪口 雅郎: 出芽酵母トランスロコンを介したタンパク質膜透過における膜貫通型 J-タンパク質 Erj5p の機能解析: 第 42 会日本分子生物学会 (福岡国際会議場・福岡市) (2019)
- VI-2 大塚礼己、中井朋則、山内大輔、横田悦雄、峰雪芳宣: PPB に局在する CDK の研究: PSTAIR 抗体とタマネギ cdc2 抗体の比較: 第 83 回日本植物学会 (東北大学・仙台市) (2019)
- VI-3 大塚礼己、中井朋則、山内大輔、横田悦雄、峰雪芳宣: 2 種の cdc2 抗体を使ったタマネギ PPB に局在する CDK の解析: 第 31 回日本植物形態学会 (東北大学・仙台市) (2019)
- VI-4 大塚礼己、中井朋則、山内大輔、横田悦雄、峰雪芳宣: PSTAIR 抗体とタマネギ cdc2 抗体を使ったタマネギ PPB に局在する CDK の解析: 近畿植物学会 (京都大学・京都市) (2019)

大学院生命理学研究科

博士後期課程

永井 陽久: isodecoder tRNA 毎の絶対定量法の確立と、生理学的変化に伴う tRNA レパー
トリー変化の解析

博士前期課程

岩元 夏純：monosome にトラップされている mRNA の翻訳一時停止機構の解析

井上 佳菜：Nucleoporin が形成するヒドロゲルを用いた RNA の核膜孔透過の *in vitro* 再構成

増田 愛葵：Amoeba proteus における細胞膜とアクチン繊維の相互作用

科学研究費補助金等

- 1 日本学術振興会科学研究費補助金（平成 29～31 年度）基盤研究(C)一般 課題番号 17K07289
研究課題 真核生物における tRNA 組成の可塑性を導く tRNA 遺伝子の個別制御の検討
研究代表者 吉久徹
- 2 日本学術振興会科学研究費補助金（平成 29～31 年度）基盤研究(C)特設分野研究 課題番号 17KT0113
研究課題 核膜孔を介した RNA 輸送のボトムアップ型再構築に向けての基盤整備
研究代表者 吉久徹