

## I 出芽酵母を用いた核-細胞質間輸送をはじめとする tRNA 動態の解析

Analyses of tRNA kinesis, including nuclear-cytoplasmic transport of  
tRNAs, in budding yeast

吉久徹  
Yoshihisa, T.

真核生物の tRNA は、転写後に様々な修飾を受けて成熟化し、最終的には細胞質で働く。一部の tRNA は intron を含んだ前駆体として転写されるが、ほとんどの intron は anticodon 近傍に挿入されており、その splicing は tRNA の機能化に必須である。tRNA の splicing は、mRNA とは異なり、タンパク質のみから成る酵素群が司るが、我々は出芽酵母の splicing 酵素群が、細胞質、特にミトコンドリア表面で働くこと、さらには、成熟体 tRNA が細胞質と核とを行き来しながらその一生を過ごすことを見出している。現在、この過程を司る分子機構の全貌を明らかにするため、出芽酵母 *Saccharomyces cerevisiae* を用いて解析を進めている。さらに近年、tRNA のレパートリーが、生理的環境や生物の発生段階、組織形成に応じて変化するという証拠が得られつつある。我々は、tRNA 量の新規絶対定量法である OTTER 法を開発し、また、積極的な tRNA 量の改変系を構築することで、tRNA レパートリーの生理的環境に応じた動態の詳細や、それを可能にする機構、さらには、そうしたレパートリー変化が翻訳をはじめとする生理機能へ及ぼす影響を解析している。

## II 出芽酵母の tRNA 遺伝子に含まれる intron の 生理的意義の解析

Studies on physiological functions of tRNA introns in budding yeast

吉久徹  
Yoshihisa, T.

前駆体 tRNA 中の intron は除かれることが tRNA の機能化に必須だが、逆に言えば tRNA 遺伝子に intron は必要なのだろうか？我々は、染色体上の遺伝子組換えが容易な出芽酵母の特性を生かし、tRNA の種類毎に、intron を持つ遺伝子全てを intron 欠失型に置き換えるプロジェクトを進め、全ての isoacceptor tRNA にとって intron は必ずしも必要でないことを明らかにしている。intron 欠失株の表現型解析を進めるなかで、tRNA-Ile<sup>UAU</sup> の intron が必要なアンチコドン修飾に必須であるだけで無く、不必要な修飾を防ぐ役割を持つこと、intron 欠失株の一部では、rRNA の成熟化や核小体の形態に異常が見られることを明らかにした。現在、tRNA-Leu<sup>CAA</sup> の intron 欠失

株において、intron 欠失の mRNA レポートリーや翻訳への影響を網羅的な解析で検討している。

### III 一時的翻訳停止を必要とする mRNA の翻訳再開と 品質管理回避のメカニズムの解析

Investigation of mechanisms that allow translational restart and avoidance from mRNA surveillance of certain mRNAs that require tactical translational arrest for their regulation.

吉久徹  
Yoshihisa, T.

出芽酵母の小胞体ストレス応答の鍵転写因子である Hac1 は、tRNA 型の細胞質プライシングを受けるめずらしい mRNA から翻訳される。しかし、前駆体 *HAC1* mRNA は、(1) 翻訳停止状態にあること、(2) 見かけ上、未成熟終止コドンと認識されうる読み枠構造をもつこと等から、mRNA の品質管理機構によって分解されるべき特性を持つにもかかわらず、非ストレス下で安定な休眠状態にある。他の mRNA でも、その 2 次構造や rare codon を用いた一時的翻訳停止を用いて、タンパク質のドメイン毎の折りたたみを可能にする例があるが、こうした mRNA の翻訳停止機構がある程度理解されているに対し、その翻訳再開機構はよくわかっていない。当然、こうした mRNA もこれらも見かけ上、RNA の品質管理に抵触している。そこで、*HAC1* mRNA をはじめとする一時的翻訳停止を伴う mRNA の品質管理回避や、翻訳再開の機構について研究を進めている。特に、*HAC1* mRNA の翻訳制御にも関わり、この mRNA の細胞質プライシング因子でもある Rlg1 に着目した解析を進めている。この中で、小胞体ストレス応答不全となる *rlg1* 変異の中には非ストレス下の *HAC1* mRNA が不安定になる変異があること、また、小胞体ストレス下では酵母 Ski 複合体が *HAC1* の翻訳制御に関わることを明らかにした。一方、複数のリボソームが同じ mRNA 分子上に複数並んで翻訳を進めるのが普通であるが、一部の mRNA では十分な長さがあるにもかかわらず、1 分子の mRNA に 1 個のリボソームしか結合しない状態で翻訳される。こうした mRNA の翻訳制御についても研究を進めている。

### IV 原生動物の運動に関与する分子機械

Studies on biomolecules responsible for motility of protozoa

園部誠司・吉久徹  
Sonobe, S., Yoshihisa, T.

原生動物は 1 個の細胞が 1 個体であり、運動、摂食、分裂、環境応答など多細胞生物が持つ様々な機能を同等に持っているが、1 細胞であるがゆえに多細胞生物の細胞には見られない独特の様式

でこれらの機能を発現している。特に運動様式は特殊なものが多くみられる。しかし、そこで用いられている運動タンパク質は微小管、アクチンといった多細胞生物と共通のものである。さまざまな原生動物を用いて、それらの特殊な運動様式の仕組みの解明を行い、それを通じて運動機構の普遍的な原理を明らかにすることを目指している。

## V 植物の形態形成に関与する分子機械

Studies on biomolecules responsible for morphogenesis in plants

園部誠司・吉久徹  
Sonobe, S., Yoshihisa, T.

植物の形は個々の細胞の形と細胞の配列により決定されている。前者は膨圧による細胞伸長が細胞壁とその配向を制御する微小管によってなされており、後者は細胞質分裂時の細胞板位置決定によりなされている。現在は細胞板位置決定機構をタバコ培養細胞を用いて解析しており、アクチン繊維の構築が重要な役割を果たしていることが示唆されている。

## VI 植物小胞体の形態形成に関与する分子機械

Studies on biomolecules responsible for morphogenesis of  
endoplasmic reticulum in plant cells

横田悦雄・吉久徹  
Yokota, E., Yoshihisa, T.

植物細胞の機能発現において、細胞骨格は重要な役割を果たしている。原形質流動におけるアクチン-ミオシン系の役割について、研究を行ってきた。植物特異的なミオシン XI による小胞体流動により、原形質流動が引き起こされること、また原形質流動の速度が植物のサイズに影響を及ぼすことを明らかにした。そして輸送だけではなく、小胞体の形態形成機構におけるアクチン-ミオシン系や、小胞体膜タンパク質である RHD3 の役割について解析を行っている。その結果 RHD3 が小胞体膜融合因子であり、リン酸化によりその活性が調節されることが示された。

## VII その他の共同研究

Other collaborations

吉久徹・園部誠司・横田悦雄  
Yoshihisa, T., Sonobe, S., Yokota, E.

## 発表論文 List of Publications

- I-1 Herrmann, J. M., Carvalho, P., Hayer-Hartl, M., and Yoshihisa, T.: Life of proteins: from nascent chain to degradation. *Nature Structural and Molecular Biology*, **25**, 996-999 (2018)
- I-2 吉久徹 : tRNA の成熟化と核-細胞質間ダイナミクス. *Plant Morphology*, **30**, 37-58 (2018)
- I-3 Nagai, A., Mori, K., Shiomi, Y., and Yoshihisa, T.: OTTER, a new method for measuring absolute quantity of tRNAs. The 23rd Annual Meeting of the RNA Society (University of California at Berkeley, Berkeley, USA)(2018)
- I-4 Nagai, A., Mori, K., Shiomi, Y., and Yoshihisa, T.: Measurement and alteration of tRNA repertoires in *Saccharomyces cerevisiae*. International Symposium on "Proteins; from the Cradle to the Grave" (Enryakuji-Kaikan, Shiga, Japan)(2018)
- I-5 Nagai, A., Mori, K., Shiomi, Y., and Yoshihisa, T.: How to measure absolute quantity of tRNAs.: 第 70 回日本細胞生物学会・第 51 回日本発生生物学会合同大会 (タワーホール船堀・東京都) (2018)
- I-6 永井陽久、塩見由麻、森滉平、池田彩乃、佐藤友衣子、河野龍之進、荒井麻里、粕谷日向子、吉久徹 : 出芽酵母における tRNA レポートリーの解析と改変 : 第 20 回日本 RNA 学会年会 (大阪市ホテルコスモスクエア国際交流センター・大阪市) (2018)
- I-7 永井陽久、塩見由麻、森滉平、吉久徹 : 出芽酵母における tRNA トランスクリプトーム解析 : 第 20 回日本 RNA 学会年会 (大阪市ホテルコスモスクエア国際交流センター・大阪市) (2018)
- I-8 永井陽久、塩見由麻、森滉平、吉久徹 : 出芽酵母における tRNA トランスクリプトーム解析 : 第 41 回日本分子生物学会年会 (パシフィコ横浜、横浜市) (2018)
- II-1 Hayashi, S. and Yoshihisa, T.: Intron removal from tRNA genes in *S. cerevisiae*. The 27th tRNA Conference (Strasbourg Convention + Exhibition Centre, Strasbourg, France)(2018)
- II-2 Hayashi, S. and Yoshihisa, T.: Intron removal from tRNA genes in *Saccharomyces cerevisiae*. International Symposium on "Proteins; from the Cradle to the Grave" (Enryakuji-Kaikan, Shiga, Japan)(2018)
- II-3 林 紗千子、七野 悠一 (理研)、岩崎 信太郎 (理研)、吉久 徹 : tRNA-Leu<sub>CAA</sub> 遺伝子からのイントロン削除が与える影響について : 第 41 回日本分子生物学会年会 (パシフィコ横浜・横浜市) (2018)
- III-1 吉見理子、山本智加、吉久徹 : 酵母 *HAC1* mRNA の安定化に関する tRNA ligase、Rlg1 の遺伝的解析 : 第 41 回日本分子生物学会年会 (パシフィコ横浜・横浜市) (2018)
- III-2 林 紗千子、岩元夏純、吉久 徹 : モノソーム偏在 mRNA として同定された核コードミトコンドリア mRNA の翻訳制御に関する解析 : 第 41 回日本分子生物学会年会 (パシフィコ横浜・横浜市) (2018)
- IV-1 園部誠司、山岡望海 : イカダケイソウの滑走運動機構. *生物工学*, **96**, 257-260 (2018)
- V-1 Arima, K., Tamaoki, D., Mineyuki, Y., Yasuhara, H., Nakai, T., Shimmen, T., Yoshihisa, T., and Sonobe, T.: Displacement of the mitotic apparatuses by centrifugation reveals cortical actin organization during cytokinesis in cultured tobacco BY-2 cells. *Journal of Plant Research*, **131**, 803-815 (2018)
- VII-1 横田悦雄、新免輝男、高木慎吾 (大阪大学) : PIP2 を介してリポゾームに結合したピリンは、F-アクチンと相互作用することができる : 第 82 回日本植物学会年会 (広島国際会議場・広島市) (2018)

- VII-2 Takamatsu, H.(大阪大学), Yokota, E., Morii, M.(大阪大学), Takagi S.(大阪大学) : Roles of spinach villin-like proteins in chloroplast anchoring.: International Symposium on Photosynthesis and Chloroplast Biogenesis 2018 (倉敷国際ホテルおよび倉敷市民会館・倉敷市) (2018)
- VII-3 小島 崇裕 (大阪大学)、甲斐 卓 (大阪大学)、石田 泰浩 (大阪大学)、横田 悦雄、高木 慎吾 (大阪大学) : シロイヌナズナの向背軸変異体における葉緑体暗黒定位の制御 : 第 60 回日本植物生理学会年会 (名古屋大学・名古屋市) (2019)
- VII-4 菅 公秀、吉久 徹、阪口 雅郎 : 出芽酵母小胞体におけるフォールディングプローブを用いた新生鎖膜透過動態解析 : 第 41 回日本分子生物学会年会 (パシフィコ横浜・横浜市) (2018)

## 大学院生命理学研究科

### 博士後期課程

永井 陽久 : isodecoder tRNA 毎の絶対定量法の確立と、生理学的変化に伴う tRNA レパートリー変化の解析

### 博士前期課程

吉見 理子 : *rlg1* 変異を利用した *HAC1* mRNA の翻訳制御・NGD 回避制御に関わる新規因子の遺伝学的探索

岩元 夏純 : monosome にトラップされている mRNA の翻訳一時停止機構の解析

## 科学研究費補助金等

- 1 文部省科学研究費補助金 (平成 29~30 年度) 新学術領域研究 課題番号 17H05672  
研究課題 機動的翻訳速度制御と tRNA レパートリー  
研究代表者 吉久徹
- 2 日本学術振興会科学研究費補助金 (平成 29~31 年度) 基盤研究(C)一般 課題番号 17K07289  
研究課題 真核生物における tRNA 組成の可塑性を導く tRNA 遺伝子の個別制御の検討  
研究代表者 吉久徹
- 3 日本学術振興会科学研究費補助金 (平成 29~31 年度) 基盤研究(C)特設分野研究 課題番号 17KT0113  
研究課題 核膜孔を介した RNA 輸送のボトムアップ型再構築に向けての基盤整備  
研究代表者 吉久徹